

DIVERSIDADE GENÉTICA DE POPULAÇÕES DE *Gossypium barbadense* ENCONTRADAS NO PANTANAL SUL-MATO-GROSSENSE

ANDRADE, Isadora Luciano¹ (isadora.1996@outlook.com); **ARGUELHO, Stefanie Braga Duarte**¹ (stefanie.arguelho@gmail.com); **LEITE, Ariely de Souza**¹ (arielyleite04@gmail.com); **GONÇALVES, Tauan Corrêa**¹ (agronomo.tauan@gmail.com); **CAMACHO, Marcos Antonio**² (camacho@uems.br); **SANTOS, Deisy Lúcia Cardoso Alexandrino**² (deisycardoso@uems.br).

¹ Discente do curso de Agronomia da UEMS – Aquidauana;

² Docente do curso de Agronomia da UEMS – Aquidauana.

O Brasil é considerado um centro de diversidade genética da espécie *Gossypium barbadense*, sendo encontrada em quase todo território brasileiro, inclusive na planície pantaneira. A preocupação com a conservação dos recursos genéticos dessa espécie ganhou maior relevância após a liberação para plantio de cultivares transgênicas da espécie *Gossypium hirsutum*, pois existe a possibilidade de fluxo gênico, ou seja, troca de alelos entre as duas espécies. Propor estratégias de conservação e de manejo são de fundamental importância para evitar a erosão genética. Uma vez que há possibilidade de troca de alelos a espécie *G. barbadense* pode ser usada como fonte de alelos para o melhoramento da espécie *G. hirsutum*. Assim, métodos eficientes para manipular a variabilidade genética são essenciais para o sucesso dos programas de melhoramento de híbridos, utilizando combinações entre genitores diferentes que destacam maior divergência genética e o desempenho agrônomico superior. O presente trabalho teve com objetivo avaliar a diversidade genética de populações de *G. barbadense* encontradas na cidade de Aquidauana. Durante o trabalho foram coletadas amostras de nove populações naturais, durante as coletas foram realizadas as seguintes caracterizações: o local da coleta, altura da planta, cor da flor, cor das folhas, quantidade de lóbulos, tipo de semente e tipo de fibra. Para este estudo foram utilizadas amostras das nove populações, e avaliadas as características referente pluma e sementes: massa do capulho, massa da fibra, largura e comprimento dos ‘rins’, massa das sementes, largura e comprimento das sementes. Para a análise dos componentes principais (PCA) usou-se o software Rbio. Por meio dos resultados constatou-se que os dois primeiros componentes explicam 77,51% da variação total. Dentre as características avaliadas, a massa, a largura e o comprimento das sementes são as variáveis de maior importância na distinção das populações.

Palavras-chave: Recursos genéticos, conservação, fluxo gênico.

Agradecimentos: Ao Conselho Nacional de Desenvolvimento Científico e Tecnológico (CNPq) pela concessão de bolsa de iniciação em desenvolvimento tecnológico e inovação ao primeiro autor.



Realização:

UFGD
Universidade Federal
da Grande Dourados

UEMS
Universidade Estadual
de Mato Grosso do Sul

Parceiros:

CAPES

CNPq
Conselho Nacional de Desenvolvimento
Científico e Tecnológico